

# Normalisation de couverture de séquençage

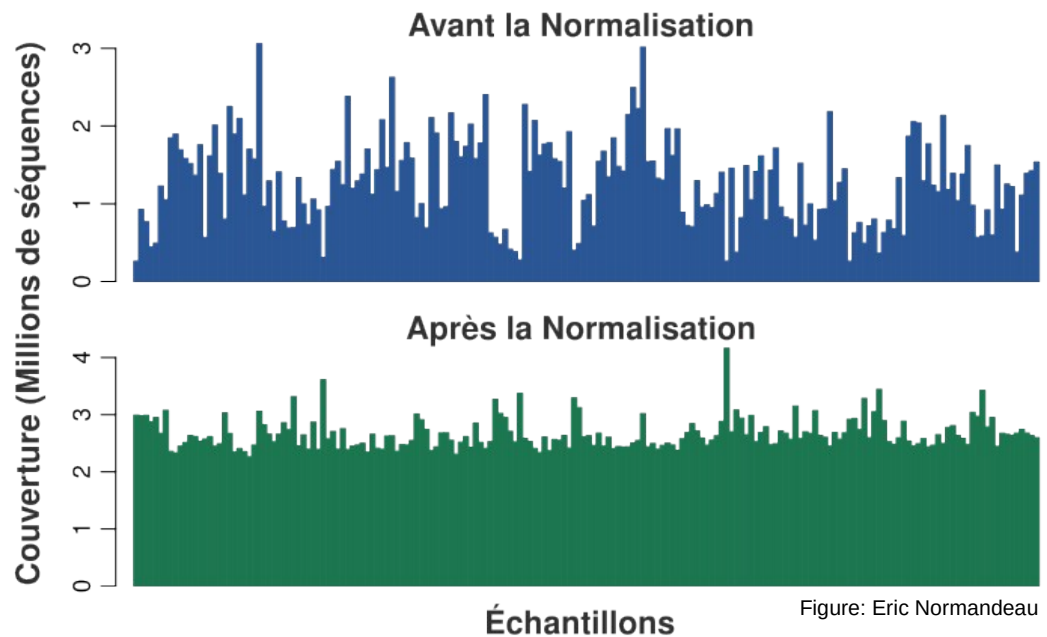


Institut de Biologie  
Intégrative et des Systèmes



## Avantages de la normalisation de couverture de séquençage

- Meilleure uniformité de séquençage pour tous les échantillons
- Réduit l'impact de la variation inter-échantillon et expérimentale
- Moins de données manquantes et plus d'échantillons conservés
- Génotypes de meilleures qualités pour l'ensemble des données
- Analyses génétiques plus robustes



## Quels projets peuvent en bénéficier

- Tous les projets NGS
- Particulièrement les projets GBS
- Variabilité d'échantillonnage
- Extractions et conservation qui diffèrent entre échantillons



## Procédure de normalisation

- Préparation des libraries
- Première série de séquençage
- Évaluation rendement par échantillon
- Séquencer les libraries ajustées
- Combiner toutes les séquences
- Analyses avec données améliorées

Des meilleurs données, de meilleurs résultats

Eric Normandeau  
2026