



UNIVERSITÉ
LAVAL



INTERLABS - IBIS



Halim Maaroufi

**Responsable de travaux pratiques et de recherche
Centre de Bio-informatique, IBIS.**

Doctorat en biochimie des protéines.

Je travaille au centre de Bio-informatique depuis 2005. Je m'occupe de la bio-informatique structurale des protéines et de la métagénomique.

La structure des protéines et l'intelligence artificielle

Judi 16 janvier 2025 à 12 h 30

Pavillon-Charles Eugène-Marchand, salle Hydro-Québec (1210)

L'utilisation de l'intelligence artificielle (deep learning) pour résoudre le problème du repliement des protéines a permis de faire un pas de géant dans la prédiction de la structure des protéines. Dans cet Interlab, je vais présenter brièvement le fonctionnement d'AlphaFold 2 et 3, et donner quelques exemples de leur application. J'évoquerai également le design *de novo* de peptides se liant à des régions spécifiques d'une protéine. Ces peptides peuvent servir comme marqueurs ou à des fins thérapeutiques.