



Pr. Éric Paquet

Institut intelligence et données;
Centre de recherche en données massives;
Département des sciences animales, Faculté des sciences de l'agriculture et l'alimentation.
Université Laval

Cartographie du répertoire immunitaire adaptatif des vaches laitières par séquençage à haut-débit

Jeudi 14 mars à 12 h 30

Pavillon Charles-Eugène Marchand, salle Hydro-Québec (1210)

Vous pouvez maintenant assister à la conférence via Zoom en cliquant sur ce lien :

[Accéder à la vidéoconférence](#) (pour une expérience plus agréable, préférez l'installation de l'application Zoom à l'utilisation du navigateur). >> [Instructions pour la configuration de l'audio](#) <<

Résumé:

La recombinaison V(D)J est un processus moléculaire crucial dans le système immunitaire des vertébrés, permettant la génération d'une grande diversité de récepteurs d'antigènes. Ce processus se produit principalement dans les cellules lymphoïdes, où les segments génétiques variables (V), divers (D) et joints (J) sont réarrangés de manière aléatoire pour former le gène codant les récepteurs des lymphocytes T et B. Cette recombinaison génétique génère une vaste gamme de récepteurs, augmentant ainsi la capacité du système immunitaire à reconnaître et répondre à une variété étendue d'antigènes pathogènes. La recombinaison V(D)J est un élément essentiel de l'adaptabilité et de la spécificité du système immunitaire, assurant une protection efficace contre une multitude de menaces pour la santé. Dans le cadre de ce séminaire, je présenterai les résultats d'un projet de recherche visant à cartographier l'hétérogénéité du répertoire immunitaire des vaches laitières à l'aide du séquençage haut-débit.

Hôte : Davoud Torkamaneh

Responsables: Juan Carlos Villarreal Aguilar et Davoud Torkamaneh
juan-carlos.villarreal-aguilar@bio.ulaval.ca et davoud.torkamaneh.1@ulaval.ca