
GUIDE DE SOUMISSION D'ÉCHANTILLONS POUR LE SEQUENCAGE AMPLISEQ

L'inscription est obligatoire

L'inscription à notre système de gestion intégré et sécurisé est gratuite et peut se faire en suivant le lien suivant: <https://pag.ibis.ulaval.ca/seq/fr/enregistrer.php>

Une fois l'inscription complétée, vous recevrez un nom d'utilisateur et un mot de passe qui seront requis pour soumettre des échantillons et accéder à vos résultats. Les données sont organisées par chercheur principal dans notre système et toute personne inscrite avec un chercheur aura accès aux données de tout le groupe.

Une soumission est requise avant toute demande de service

Vous pouvez demander une soumission directement à la plateforme à nextgen@ibis.ulaval.ca.

Une méthode de paiement est requise pour la soumission d'échantillons

Nous acceptons la plupart des modes de paiement habituels. Vous trouverez ci-dessous l'information qui doit être fournie pour chaque méthode.

Bon de commande: Nous avons besoin du numéro de bon de commande. Veuillez attacher la copie du bon de commande (en format pdf), particulièrement important lorsqu'on y retrouve des instructions spéciales pour le paiement.

Carte de crédit: Nous acceptons Visa et Mastercard. Vous devez fournir les coordonnées (nom, adresse et courriel) de la personne responsable du paiement. Un lien vers un site de paiement sécurisé sera envoyé à cette personne. Veuillez noter que nous facturerons au moment où nous serons confiants de pouvoir livrer le

service complet selon nos hauts standards de qualité. NE PAS ENTRER LES INFORMATIONS DE LA CARTE DE CRÉDIT SUR NOTRE SITE DE SOUMISSION.

Prépaiement: Nous pouvons générer une facture à l'avance pour transfert bancaire. Vous devez fournir les coordonnées (nom, adresse et courriel) de la personne responsable du paiement. Veuillez noter que nous facturerons au moment où nous serons confiants de pouvoir livrer le service complet selon nos hauts standards de qualité.

Préparation des échantillons

Les échantillons doivent avoir un **volume** minimum de **10 µl** et une **concentration** de **3000 copies de génome/µl**. Vous pouvez calculer la concentration en ng/ul équivalente à 3000 copies/ul en utilisant un outil comme celui-ci :

[DNA copy number calculator](#)

ou en utilisant la formule suivante :

$$\text{concentration (ng/ul)} = 3000 \text{ copies/ul} \div \frac{6.022 \times 10^{23} \text{ copies/mol}}{\text{taille (pb)} \times 650 \times 10^9 \text{ ng/mol/pb}}$$

Si vous ne pouvez pas nous fournir 3000 copies/ul, veuillez nous en aviser et nous fournir les concentrations en copies/ul dans un fichier Excel.

Pour des échantillons ne provenant pas de cultures pures, la concentration d'ADN totale ne doit pas dépasser 15 ng/ul. Dans ce cas, vous devez nous fournir le nombre approximatif de copies de génome de l'espèce à séquencer/ul pour chacun des puits.

Si vos échantillons n'ont pas tous le même nombre de copies/ul, veuillez les disposer sur la plaque en colonnes par nombre de copies similaires.

Les échantillons doivent être fournis dans des **plaques PCR 96 puits transparentes**. Voir des exemples dans les images ci-dessous.



Toujours identifier vos plaques sur le côté et nous suggérons d'utiliser un système de nomenclature qui rendra chaque soumission unique. Une manière de rendre les noms uniques est d'utiliser une combinaison du nom du chercheur principal, de la date et du numéro de plaque, par exemple : BBoyle_20170824_Plate1.

Il est également important d'inscrire sur vos plaques le numéro de ticket que vous recevrez par courriel.

S.V.P. utilisez une disposition des échantillons en colonnes plutôt qu'une disposition en rangées dans le cas de plaques incomplètes comme dans l'exemple ci-dessous :

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	●	●	●	○	○	○	○	○	○	○	○	○
B	●	●	●	○	○	○	○	○	○	○	○	○
C	●	●	●	○	○	○	○	○	○	○	○	○
D	●	●	●	○	○	○	○	○	○	○	○	○
E	●	●	●	○	○	○	○	○	○	○	○	○
F	●	●	●	○	○	○	○	○	○	○	○	○
G	●	●	●	○	○	○	○	○	○	○	○	○
H	●	●	●	○	○	○	○	○	○	○	○	○

Assurez-vous que les plaques soient scellées correctement avant de nous les faire parvenir. Le scellant doit prévenir l'évaporation et empêcher le mouvement des échantillons pendant le transport, et doit pouvoir s'enlever aisément pour avoir accès aux échantillons. À cet effet, nous recommandons l'utilisation du scellant Abgene 0558 sealing films (AB-0558) ou l'équivalent.

Inclure le ou les tubes d'amorces Ampliseq (Ampliseq primer pool) avec vos échantillons.

Soumission des échantillons

Les échantillons doivent être soumis via notre site de demande de service. La façon la plus facile d'y accéder est d'utiliser le lien dans le courriel contenant la soumission.

Vous devez être enregistré et fournir l'information requise.

Lorsque votre demande de service sera complétée, vous recevrez une réponse automatique avec un numéro de ticket. Vous devez identifier vos plaques avec ce numéro. Ce sera également votre référence si vous devez nous contacter.

Veillez nous envoyer votre liste d'échantillons avec la position correspondante sur la plaque et la concentration d'ADN dans un fichier texte ou Excel en répondant au courriel automatisé.

Instructions pour l'envoi

Protégez vos plaques adéquatement. Nous recommandons l'envoi des plaques dans une glacière en styromousse et l'utilisation de "ice packs" en quantité suffisante. Évitez l'utilisation de glace sèche. Nous suggérons fortement de faire vos envois les lundis et mardis seulement.

Envoyez à l'adresse suivante :

Plate-forme d'analyses génomiques
Pavillon CE-Marchand
1030, rue de la Médecine
Local 0147 (Reception des marchandises)
Université Laval
Quebec (Quebec) G1V 0A6
CANADA

Au Canada

Utilisez un transporteur pouvant livrer avant midi le lendemain.

A l'international

Utilisez le transporteur le plus rapide possible. Il est important de nous aviser afin que nous puissions faire les arrangements nécessaires pour faciliter le dédouanement de vos échantillons. Un document de déclaration de douanes (pro-forma) doit absolument accompagner vos échantillons. Nous pouvons vous fournir un exemple de pro-forma sur demande. Envoyez l'information sur le transporteur et le numéro de suivi à sequencage@ibis.ulaval.ca.

Il est possible d'envoyer des échantillons déshydratés à température ambiante pour éviter la contamination croisée durant le transport.